



T.C.
PAMUKKALE ÜNİVERSİTESİ
Genel Sekreterlik

Sayı :27848278-051.99/
Konu :Uygulamalı Bitki Genom Analizleri
Eğitimi

Dağıtım

Üniversitemiz Tohum Islahı ve Genetik Uygulama ve Araştırma Merkezi ile Çal Meslek Yüksekokulu işbirliğiyle, Pamukkale Üniversitesi Tohum Islahı ve Genetik Uygulama ve Araştırma Merkezi yönetmeliğinin 5. maddesi (f) bendi uyarınca; 25-26/04/2019 tarihleri arasında ulusal katılımlı olarak "Uygulamalı Bitki Genom Analizleri Eğitimi" gerçekleştirilecek olup eğitime dair ayrıntılı bilgi ve eğitim posterini <http://www.pau.edu.tr/tohumislahiuam> web adresinde ve ekte sunulmuştur.

Bilgilerinizi ve gerekli duyuruların yapılmasını saygılarımla arz ederim.

e-imzalıdır
Prof. Dr. Hüseyin BAĞ
Rektör

EKLER :
İlgili Yazı
DAĞITIM
Tüm Üniversiteler
TARIM VE ORMAN BAKANLIĞI
(Tarımsal Araştırmalar ve Politikalar Genel
Müdürlüğüne)

Evrakı Doğrulamak İçin : <http://dys.pau.edu.tr/enVision/Dogrula/NNSPDKF>

Kıvrıklı Yerleşkesi 20160/DENİZLİ

Tel: 0 (025) 8

E-Posta:

Faks: 0 (258) 0

Elektronik Ağ:<http://www.pau.edu.tr/genelsekreterlik/tr>

Ayrıntılı bilgi için irtibat : Süleyman AYER





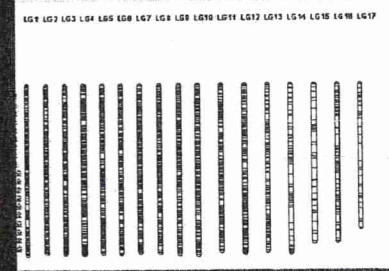
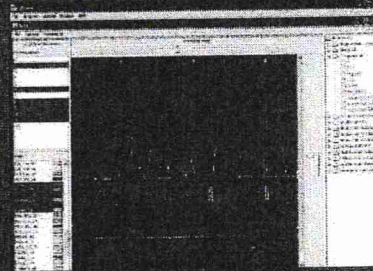
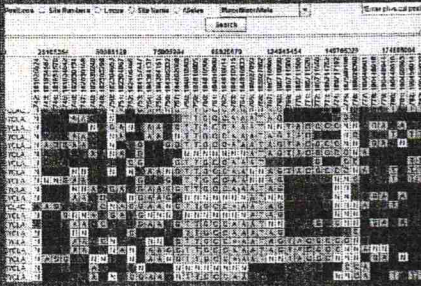
PAMUKKALE ÜNİVERSİTESİ

TOHUM ISLAHI ve GENETİK UYGULAMA ve
ARAŞTIRMA MERKEZİ

UYGULAMALI BİTKİ GENOM ANALİZLERİ EĞİTİMİ

25-26 NİSAN 2019

GENETİK ÇEŞİTLİLİK ANALİZLERİ
GENETİK BAĞLANTI HARİTALAMASI
QTL HARİTALAMA
İLİŞKİLENDİRME HARİTALAMASI
ÇALIŞMALARINDA KULLANILAN
PROGRAMLARIN ÖĞRETİLECEĞİ
EĞİTİMİMİZE TÜM ARAŞTIRMACILAR
DAVETLİDİR



PAÜ ÇAL MESLEK YÜKSEKOKULU
ÇAL/DENİZLİ
25-26 NİSAN 2019

AYRINTILI BİLGİ
WWW.PAU.EDU.TR/TOHUMISLAHIUAM

DR. ÖĞR. ÜYESİ İBRAHİM ÇELİK
TEL:05465735818

Uygulamalı Bitki Genom Analizleri Eğitimi

Moleküler bitki ıslahı gen ya da gen bölgelerine bağlantı gösteren moleküler markörlerin bitki ıslahında kullanılmasını kapsamaktadır. Günümüzde Moleküler ıslah çalışmalarının temelini oluşturan marköre dayalı seçim (MAS) uygulamaları kısa sürede hastalıklara dayanıklı, yüksek kalite ve verim özelliklere sahip bitki çeşitlerinin geliştirilmesine olanak vermektedir. Ülkemizde çeşit geliştirme çalışmalarının etkin bir şekilde yapılabilmesi için moleküler ıslah yaklaşımının klasik bitki ıslah yaklaşımına entegre edilmesi kaçınılmaz olmuştur. Moleküler bitki ıslahı yaklaşımının çeşit geliştirme çalışmalarında kullanılmasının ilk aşaması, moleküler ıslah araç ve yöntemlerinin geliştirilmesini hedeflenen AR-GE çalışmalarının yapılmasıdır. Moleküler ıslah AR-GE aşamaları şu şekilde sıralanabilir;

1. Bitki spesifik moleküler markörlerin geliştirilmesi.
2. Bitki gen kaynaklarının moleküler karakterizasyonu.
3. Bitki çeşitleri için DNA parmak izi oluşturulması.
4. Çeşitli hastalık etmenlerine dayanıklılık sağlayan genlere bağlantı gösteren moleküler markörlerin geliştirilmesi (Gen haritalama).
5. Agronomik karakterleri kontrol eden kantitatif karakter lokuslarının (QTL) belirlenmesi.

Ülkemizde yapılan bu AR-GE çalışmaları kapsamlı genom analizlerini içermekte olup bu analizler sonucunda üretilen moleküler genetik veriler çeşitli yöntem ve algoritmalar kullanılarak analiz edilmektedir. Bu bağlamda, Pamukkale Üniversitesi Tohum Islahı ve Genetik Uygulama ve Araştırma Merkezi bünyesinde gerçekleştireceğimiz Bitki Genom Analizleri eğitimi katılımcılara bitki genom analizlerinde kullanılan çeşitli bilgisayar programlarının uygulamalı olarak öğretilmesini hedeflemektedir. Eğitimimizde tanıtılması hedeflenen analizler üç ana bölüme ayrılmıştır (Genetik çeşitlilik analizleri, Genetik bağlantı analizleri ve Kantitatif karakter lokus analizleri). Uygulamalı olan eğitimde dominant ve kodominant markör verileri kullanılarak kapsamlı bitki genom analizleri yapılacaktır. Eğitimimiz her seviyede bitki genomu alanında çalışan ya da çalışmak isteyen öğrenci, araştırmacı ve akademisyenlere açıktır. Ayrıca bitki genomu dışında, moleküler markör uygulamalarının kullanıldığı diğer bilim dallarındaki araştırmacılara (Tıp, su ürünleri ve veterinerlik) eğitimimizin büyük katkısı olacaktır. Eğitim sonunda katılımcıların genetik çeşitlilik, genetik bağlantı ve QTL analizlerini yapabilmeleri hedeflenmektedir.

BAŞVURU

Katılımcı sayısı sınırlı olup katılmak isteyenlerin ekteki eğitim katılım formunu doldurularak formu icelik@pau.edu.tr mail adresine göndermesi gerekmektedir. Katılımcıların bilgisayar getirmesi gerekli değildir.

İletişim:

05465735818

Dr. Öğr. Üyesi İbrahim ÇELİK

Ödeme ve Banka Bilgileri

BANKA	HALKBANK
ŞUBE	PAMUKKALE ÜNİVERSİTESİ ŞUBESİ
HESAP SAHİBİ	PAMUKKALE ÜNİVERSİTESİ DÖNER SERMAYE
ŞUBE KODU	1463
HESAP NO	06000092
IBAN	TR70 0001 2001 4630 0006 0000 92

Havale ve EFT yaparken Açıklama kısmına adınızı ve

ÇAL MYO DÖNER SERMAYE Yazınız

Katılım Ücreti: Öğrenci: 300 TL

Araştırmacı ve Akademisyen: 350 TL

Katılım ücreti: Denizli merkezden Çal ilçesine ulaşım, öğle yemekleri ve kahve aralarını içermektedir.

EĞİTİM PROGRAMI

1. Genetik Çeşitlilik Analizleri

1. Genetik çeşitlilik ve kümeleme analizleri: Genetik çeşitlilik analizlerinde kullanılan programlar tanıtılacaktır.

1.1. Hiyerarşik kümeleme analizi: DARwin (<http://darwin.cirad.fr/>)

1.2. Model tabanlı kümeleme analizi: Structure

(<https://web.stanford.edu/group/pritchardlab/structure.html>)

1.3. Structure programı sonuç analizi: Structure Harvester

(<http://taylor0.biology.ucla.edu/structureHarvester/>)

1.4. Çekirdek kolleksiyon oluşturulması (Core set selection): PowerCore

(<http://genebank.rda.go.kr/genebk/eng/PowerCore/>)

2. Genetik Bağlantı Analizleri

2. Genetik bağlantı analizleri (Gen haritalama): Genetik bağlantı haritası oluşturulması ve gen haritalamada kullanılan program tanıtılacaktır.

2.1. JoinMap programı: (<https://www.kyazma.nl/index.php/JoinMap/>)

3. Kantitatif Karakter Lokus Analizleri

3. Kantitatif karakter lokus analizleri (QTL haritalama): kantitatif karakter lokuslarının (QTL) belirlenmesinde kullanılan iki yaklaşım tanıtılacaktır.

3.1. QTL haritalama: Qgene (SMR ve CIM analizleri) (<http://www.qgene.org/qgene/index.php>)

3.2. İlişkilendirme haritalaması (Association mapping): Tassel ([http://www.maizegenetics.net/tassel](http://www.maizogenetics.net/tassel))
